

Detailseite

Zentrallabor für Proteinanalytik (ZfP)

Das Zentrallabor für Proteinanalytik wurde im Jahr 2002 als gemeinsame Forschungseinrichtung von vier Sonderforschungsbereichen (SFB413, 594, 596 und TR5) gegründet und hat sich durch einen kontinuierlichen Ausbau der Infrastruktur zur ersten "Core Facility" des neugegründeten Biomedizinischen Zentrums (BMC) weiterentwickelt. Das ZfP erhebt Nutzungsgebühren um die Betriebskosten teilweise gegenzufinanzieren. Im November 2012 betreibt das ZfP vier Massenspektrometer (ein MALDI-TOF, ein Quadrupol-TOF und zwei hochauflösende Orbitraps, die an zwei Nano-HPLCs gekoppelt sind und im LC MS Modus betrieben werden), ein Kapillarelektrophoresesystem, ein Gerät zur isoelektrischen Fokussierung und eine Kapillar HPLC system zur Probenvorbereitung. Die Datenanalyse wird von Mitarbeitern des ZfP mit Hilfe von unterschiedlichen Suchprogrammen durchgeführt, die je nach Fragestellung von den ZfP Mitarbeitern und den beteiligten Wissenschaftlern gemeinsam ausgewählt werden. Das ZfP ist seit Ende 2015 im Biomedizinischen Centrum der LMU in Martinsried-Großhadern zu finden.

Adresse: Großhadernerstr. 9
82152 Planegg-Martinsried
Bayern
Deutschland
[Zur Webseite](#)

Träger

Ludwig-Maximilians-University of Munich
Geschwister-Scholl-Platz 1
80539 München
Bayern
Deutschland
<http://www.uni-muenchen.de>

Wissenschaftsgebiet

Hauptgebiete:

- Biologie
- Medizin

Nebengebiete:

- Chemie

Kategorie

Genomics-, Transcriptomics-, Proteomics, Metabolomics-Einrichtungen

Wissenschaftliche Dienstleistungen

Molekulargewichtsbestimmung von intakten Proteinen durch MALDI-TOF und ESI Q-TOF MS Proteinidentifikation durch Peptide Mass fingerprinting mit Hilfe der MALDI-TOF MS Proteinidentifikation durch LC-MS/MS Peptid Trennung durch Isoelektrische Fokussierung, HPLC, Stagetips Charakterisierung von posttranslationalen Modifikationen Charakterisierung von Protein-Protein Interaktionen Messung der Stoichiometry von Proteinkomplexen Quantitative Analyse von Proteinen Kartierung von Inter- und Intramolekularen Identifikationen

Wissenschaftliche Geräte

- LTQ Orbitrap
- LTQ Orbitrap XL
- HPLC Ultimate 3000
- HPLC Ultimate
- MALDI Voyager STR
- QSTAR QTOF
- OFFGEL 3100 Fractionator
- ETTAN Micro HPLC
- Advion Nanomate
- Advion Nanomate LESA
- CE Electrophorese System
- Server für Protein ID and Quantifikation

Schlagworte

- Proteomik
- Protein Analytik
- LC MS/MS
- MALDI
- PMF
- SILAC
- Markierungsfrei
- Protein Quervernetzung
- Massenspektrometrie
- Posttranslationale Proteinmodifikationen
- Histon Modifikationen

Netzwerke

CIPSM Zentrum für integrierte Proteinforschung

<https://www.cipsm.de/>

STATegra-Statistische Methoden zur integrativen Analyse unterschiedlicher "-omics" Daten

<https://bioconductor.org/packages/release/bioc/html/STATegRa.html>

EpiGenesys-Von der Epigenetik zur Systembiologie

<https://www.epigenesys.eu/>

Nutzer/Jahr

Interne Nutzer: 30

Externe Nutzer gesamt: 35

Externe Nutzer in Deutschland: 31

Externe Nutzer im europ. Ausland: 3

Externe Nutzer außerhalb Europas: 1